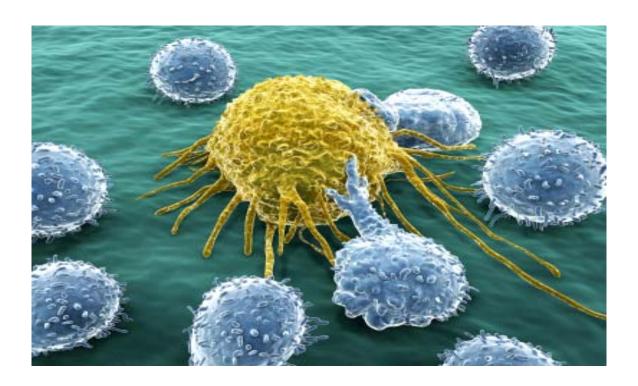
«La sola speranza di arrivare un giorno a controllare i tumori risiede nella maggiore comprensione delle cause e della patogenesi di questa malattia»



Oncologia

- Definizioni, e criteri di classificazione Caratteristiche generali dei tumori benigni e maligni (differenziazione, tasso di crescita, invasione metastasi).
- Le basi molecolari della cancerogenesi
 Il fenotipo tumorale maligno. Le alterazioni genetiche alla base dei tumori
- Le cause dei tumori
- Principali caratteristiche cliniche dei tumori



Caratteristiche generali dei tumori benigni e maligni (differenziazione, tasso di crescita, invasione metastasi)

definizione



Una neoplasia è una massa di tessuto, composto da cellule tumorali e stroma (a sua volta composto da vari tipi cellulari e ECM), che cresce in modo anomalo, e determina una malattia sistemica.

Le cellule tumorali sono caratterizzate da alterazioni del controllo della crescita, della proliferazione e della differenziazione, causate da mutazioni genetiche multiple e da alterazioni epigenetiche. Nel corso della malattia, le interazioni fra cellule tumorali e stroma si modificano, producendosi un microambiente favorevole alla crescita del tumore primario (rimodellamento tessutale, invasione, angiogenesi) e alla sua diffusione (metastasi).

criteri di classificazione

La massa tumorale ha due principali componenti:

- 1) Parenchima (cellule tumorali proliferanti)
- 2) Stroma (cellule e matrice extracellulare, vasi)

la classificazione dei tumori è su base istogenetica (componente parenchimale).

TESSUTO D'ORIGINE	BENIGNI	MALIGNI
Mesenchima		
-Connettivo e derivati	Fibroma	Fibrosarcoma
	Lipoma	Liposarcoma
	Condroma	Condrosarcoma
	Osteoma	Osteosarcoma
-Endotelio e correlati		
Vasi sanguigni	Emangioma	Angiosarcoma
Vasi linfatici	Linfangioma	Linfangiosarcoma
Sinovia	J	Sarcoma sinoviale
Mesotelio		Mesotelioma
Meningi	Meningioma	Meningioma invasivo
-Cellule del sangue e		
correlati		Leucemie
Cellule ematopoietiche		Linfomi
Tessuti linfatici		
-Tessuto muscolare	Leiomioma	Leiomiosarcoma
M. lisci	Rabdomioma	Rabdomiosarcoma
M. striati	Kauuuiiiiuiiia	Raudomiosarcoma

TESSUTO D'ORIGINE	BENIGNI	MALIGNI
Epitelio -Squamoso stratificato -cellule basali dell'epidermide o annessi	Papilloma a cell. squamose	Ca. epidermoide Basalioma
Epitelio di rivestimento -ghiandole e dotti -albero respiratorio	Adenoma Papilloma Cistoadenoma	Adenocarcinoma Ca. papillare Cistoadenocarcinoma Ca. broncogeno Carcinoide bronchiale
Neuroectoderma Epitelio renale Epatociti Epitelio tratto urinario Trofoblasto Cellule germinali maschili	Nevo Adenoma tubulare renale Adenoma epatico Pap. a cell. transizione Mola idatiforme	Melanoma Carcinoma renale Ca. epatocellulare Ca. a cell. transizione Corioncarcinoma Seminoma Ca. embrionario

TESSUTO D'ORIGINE	BENIGNI	MALIGNI
TUMORI MISTI, DERIVANTI DA UN UNICO FOGLIETTO GERMINATIVO		
Gh. salivari	Adenoma pleiomorfico	Tumore misto maligno delle gh. salivari
Mammella	Fibroadenoma	Cistosarcoma filloide
Rene TUMORI MISTI, DERIVANTI DA PIU' FOGLIETTI GERMINATIVI		Tumore di Wilms
Cellule totipotenti delle gonadi o di resti embrionari	Teratoma (maturo) Cisti dermoide	Teratocarcinoma

Tumori benigni e tumori maligni

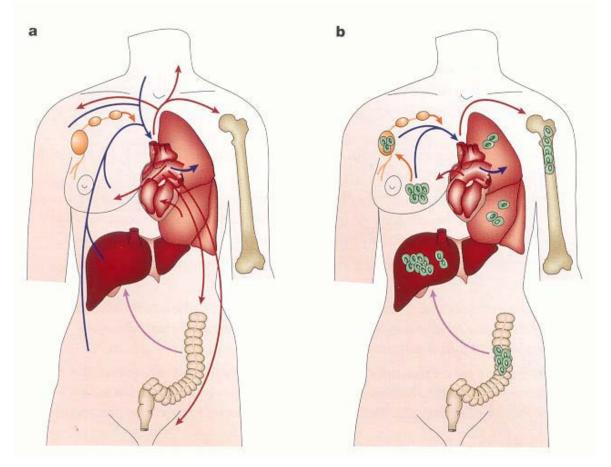
La distinzione fra tumori benigni e maligni ha essenzialmente valore clinico-prognostico, ed è basata sui seguenti parametri:

	Tumore benigno	Tumore maligno
Differenziazione e anaplasia	Cellule ben differenziate, uguali alle cellule normali	Cellule a vario grado di differenziazione, fino all' anaplasia
Tasso di crescita (tempo di raddoppiamento della massa)	Crescita lenta; in genere correla con la differenziazione	Crescita rapida; possibili variazioni della velocità; in genere correla con la differenziazione
Invasione *	Crescita localizzata, non invasiva, confini ben demarcati (capsula)	Crescita infiltrativa, invasiva, con alterazioni del tessuto circostante, confini scarsamente demarcati.
Metastasi *	No	Sì

^{*} Invasione e metastasi sono indici di malignità

Vie di diffusione

Sistema circolatorio (a), e vie di diffusione linfatica ed ematogena (b)



Via linfatica= carcinomi (origine epiteliale)

Via ematogena= sarcomi (origine connettivale)

Mortalita' in Italia (uomini e donne, anno 2006) %

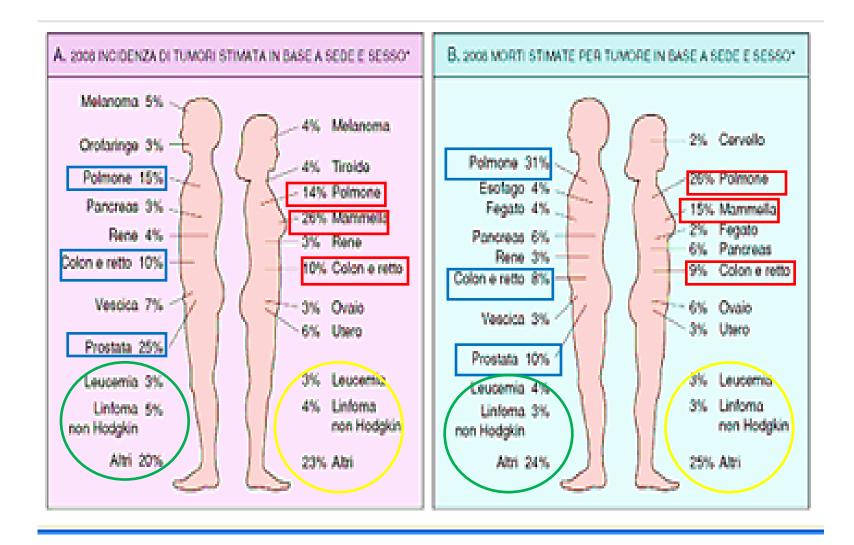
Malattie del sistema cardiocircolatorio	39,4
Tumori	30,2
Altre	9,1
Malattie del sistema respiratorio	6,4
Traumi e avvelenamenti	4,3
Malattie dell'apparato digerente	4,1
Malattie del sistema nervoso e degli organi di senso	3,5
Cause mal definite	1,7
Malattie infettive e parassitarie	1,3

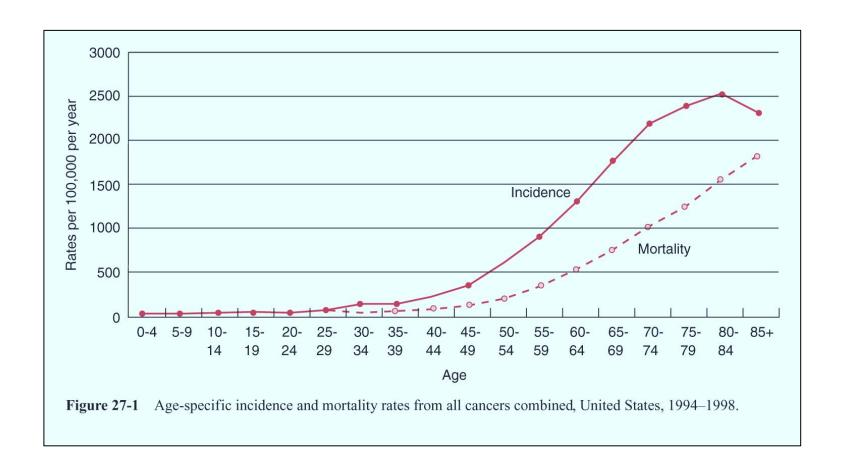
Tavola 4 - Mortalità per tumore in Italia per sesso, tutte le età, ripartizione geografica e tipo di tumore - Anno 1999 (valori assoluti e tassi standardizzati per età sulla popolazione mondiale, per 100.000 residenti)

			M	aschi	Tutte le	e età					
TIPI DI	Italia		Nord-ovest		Nord-est		Centr	Centro		Sud e Isole	
TUMORE	Decessi	Tasso	Decessi	Tasso	Decessi	Tasso	Decessi	Tasso	Decessi	Tasso	
Tutti i tumori	86.931	16,03	26.326	17,91	18.203	16,89	17.659	15,33	24.743	14,32	
Cavo Orale	538	0,11	171	0,13	143	0,16	83	0,08	141	0,09	
Esofago	1.678	0,33	605	0,43	493	0,50	272	0,25	308	0,19	
Stomaco	6.519	1,17	1.932	1,28	1.405	1,23	1.574	1,32	1.608	0,92	
Intestino	9.960	1,76	2.974	1,94	2.082	1,88	2.310	1,90	2.594	1,44	
Pancreas	3.898	0,73	1.156	0,79	948	0,88	788	0,71	1.006	0,60	
Fegato	4.021	0,76	1.319	0,91	869	0,83	600	0,54	1.233	0,74	
Laringe	1.748	0,33	553	0,38	329	0,32	294	0,27	572	0,34	
Polmoni	25.557	4,78	7.834	5,37	5.369	4,99	5.067	4,49	7.287	4,32	
Prostata	6.970	1,07	1.972	1,16	1.364	1,05	1.437	1,01	2.197	1,04	
Testicolo	75	0,02	21	0,02	15	0,02	9	0,01	30	0,02	
Melanoma	732	0,16	237	0,19	152	0,17	178	0,19	165	0,11	
Encefalo	1.470	0,34	399	0,34	299	0,37	316	0,36	456	0,32	
Rene	1.991	0,38	625	0,43	457	0,43	458	0,41	451	0,28	
Vescica	3.979	0,66	1.070	0,66	709	0,59	836	0,65	1.364	0,71	
Hodgkin	195	0,04	53	0,04	33	0,03	33	0,04	76	0,05	
Non Hodgkin	2.424	0,48	713	0,51	546	0,55	489	0,45	676	0,43	
Leucemie	2.837	0,57	787	0,59	520	0,55	608	0,58	922	0,57	

			Fe	mmine	Tutte	le età				
TIPI DI	Italia		Nord-ovest		Nord-est		Centro		Sud e Isole	
TUMORE	Decessi	Tasso	Decessi	Tasso	Decessi	Tasso	Decessi	Tasso	Decessi	Tasso
Tutti i tumori	62.047	8,36	19.550	9,09	13.561	8,75	12.490	8,20	16.446	7,51
Cavo Orale	211	0,03	65	0,03	55	0,04	38	0,02	53	0,02
Esofago	482	0,06	187	0,09	119	0,07	86	0,06	90	0,04
Stomaco	4.676	0,53	1.450	0,57	1.053	0,55	1.135	0,61	1.038	0,41
Intestino	9.116	1,09	2.784	1,13	1.943	1,13	2.013	1,16	2.376	0,97
Pancreas	3.816	0,46	1.214	0,51	957	0,55	748	0,43	897	0,38
Fegato	1.840	0,23	583	0,24	411	0,24	296	0,18	550	0,23
Laringe	137	0,02	38	0,02	26	0,02	27	0,02	46	0,02
Polmoni	5.554	0,78	1.756	0,86	1.482	1,02	1.189	0,83	1.127	0,52
Mammella	10.924	1,71	3.604	1,94	2.357	1,79	2.034	1,59	2.929	1,53
Utero	2.269	0,32	597	0,28	411	0,28	436	0,29	825	0,39
Ovaio	2.773	0,43	876	0,47	597	0,45	551	0,41	749	0,38
Melanoma	620	0,11	183	0,11	135	0,11	145	0,12	157	0,09
Encefalo	1.207	0,22	370	0,25	237	0,21	244	0,23	356	0,21
Rene	1.029	0,14	387	0,18	231	0,13	220	0,15	191	0,09
Vescica	1.023	0,10	335	0,11	212	0,09	181	0,08	295	0,10
Hodgkin	186	0,03	44	0,03	33	0,03	40	0,03	69	0,03
Non Hodgkin	2.283	0,30	772	0,35	534	0,34	432	0,27	545	0,25
Leucemie	2.201	0,33	619	0,31	429	0,30	443	0,33	710	0,35

Incidenza e mortalità per cancro in funzione della sede di insorgenza e del sesso





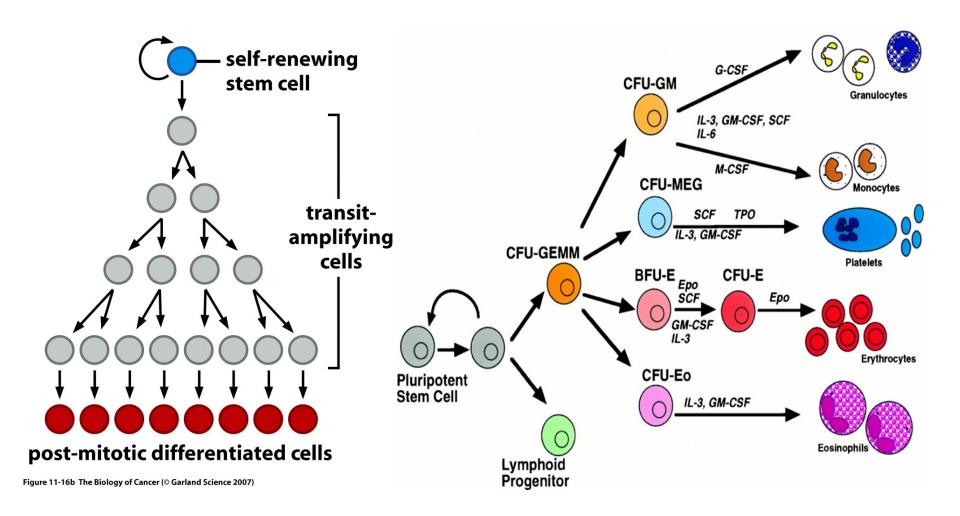
Il cancro può essere considerato una malattia dell'invecchiamento: la probabilità di contrarre il cancro aumenta in maniera esponenziale con l'aumentare dell'età

Le basi molecolari della cancerogenesi

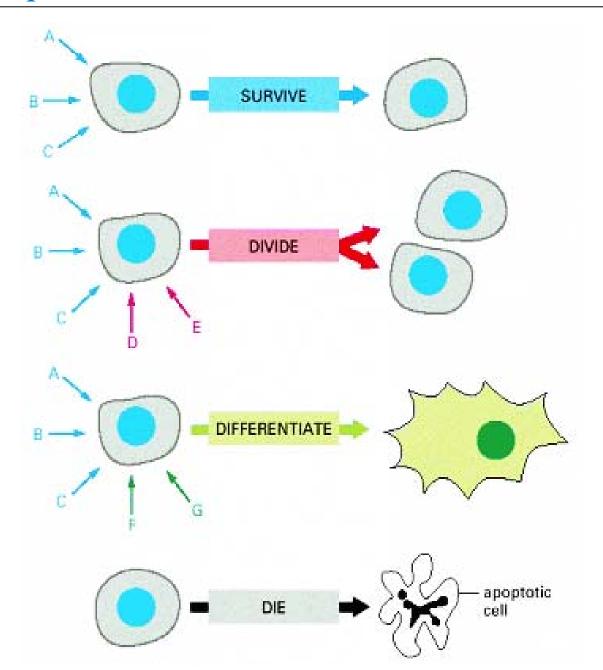
Il fenotipo tumorale maligno

Le alterazioni genetiche alla base dei tumori

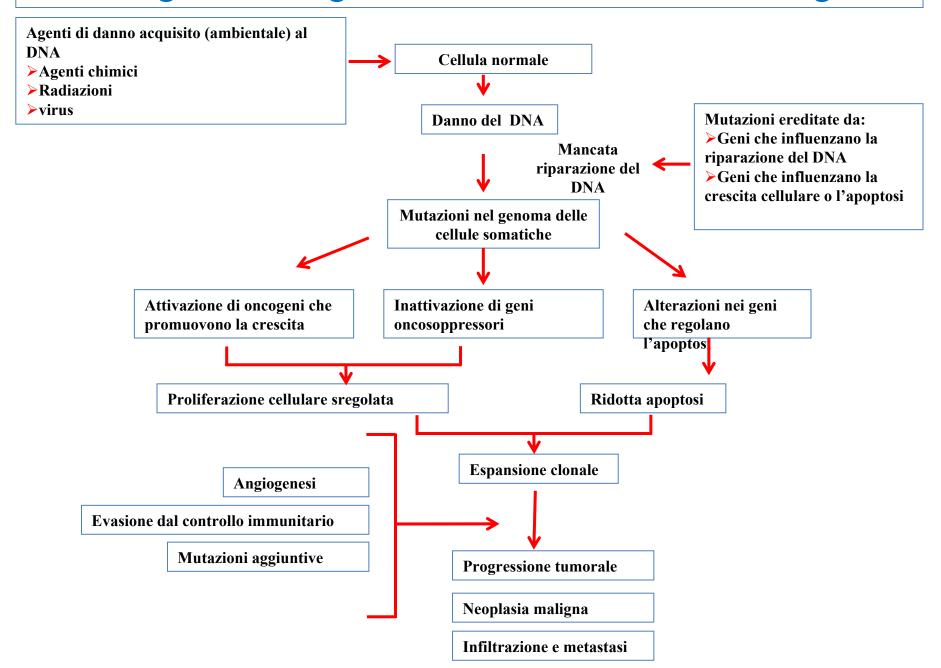
Schema di organizzazione gerarchica del rinnovamento tissutale



I possibili destini evolutivi di una cellula

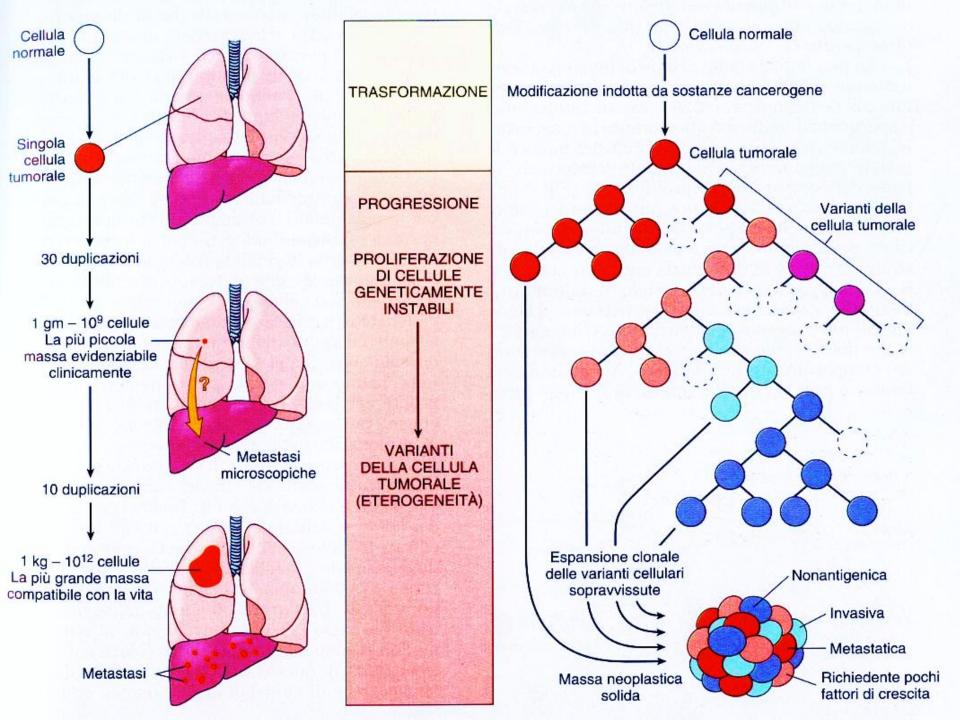


Schema generale degli eventi alla base della cancerogenesi



Le basi molecolari dei tumori - I principi fondamentali

- ▶ l'espansione clonale di una singola cellula è all'origine della massa tumorale. Con la progressione della malattia, la massa tumorale risulta composta da una popolazione eterogenea di cellule tumorali, e dallo stroma.
- un'alterazione genetica non letale (mutazione), <u>acquisita</u> (in cellule somatiche, da cause ambientali esogene ed endogene) o <u>ereditaria</u> (in cellule germinali, da cause ambientali e stocastiche) rappresenta l'evento molecolare alla base del processo di cancerogenesi. Una singola alterazione genetica non è (in genere) sufficiente a determinare la malattia.
- ➤ alterazioni genetiche multiple modificano il fenotipo delle cellule tumorali in relazione a: proliferazione e morte cellulare, potenziale replicativo, integrità del genoma, e interazioni con il microambiente (invasione, angiogenesi e metastasi).
- le alterazioni genetiche sono localizzate in più classi di geni tumore-associati (cancer-associated genes): i) proto-oncogeni (che promuovono la crescita), ii) geni oncosoppressori (che inibiscono la crescita), iii) geni che regolano l'apoptosi (che possono comportarsi da oncogeni o da oncosoppressori), e iv) geni della riparazione del DNA (che influenzano il tasso mutazionale globale del genoma, ed eventualmente la riparazione di oncogeni, di oncosoppressori, e di geni dell'apoptosi). Di recente, sono state evidenziate v) alterazioni epigenetiche (metilazione del DNA, modificazioni degli istoni, RNA non codificanti) capaci di indurre cambiamenti stabili dell'espressione di geni tumore-associati.



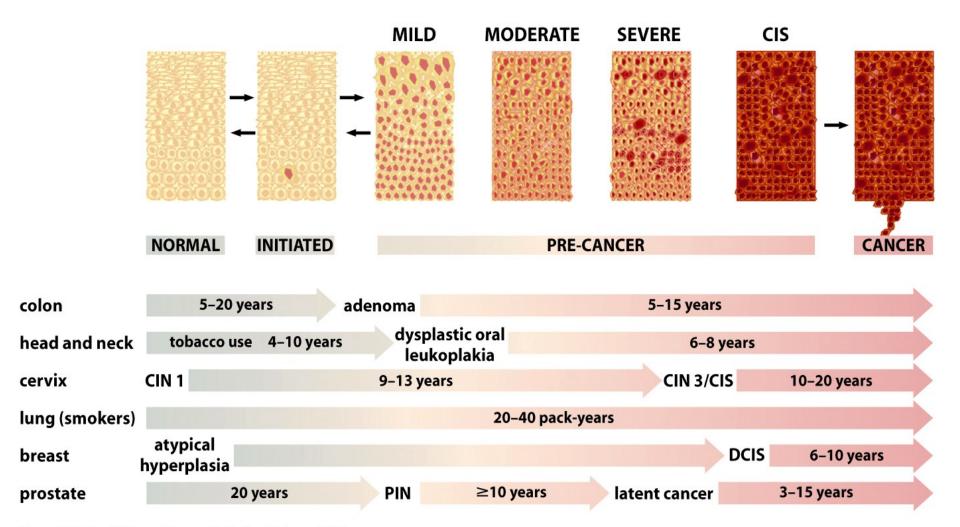


Figure 11-7 The Biology of Cancer (© Garland Science 2007)

CIN = neoplasia intracervicale intraepiteliale CIS = carcinoma in situ

DCIS = carcinoma duttale in situ PIN = neoplasia intraepiteliale prostatica

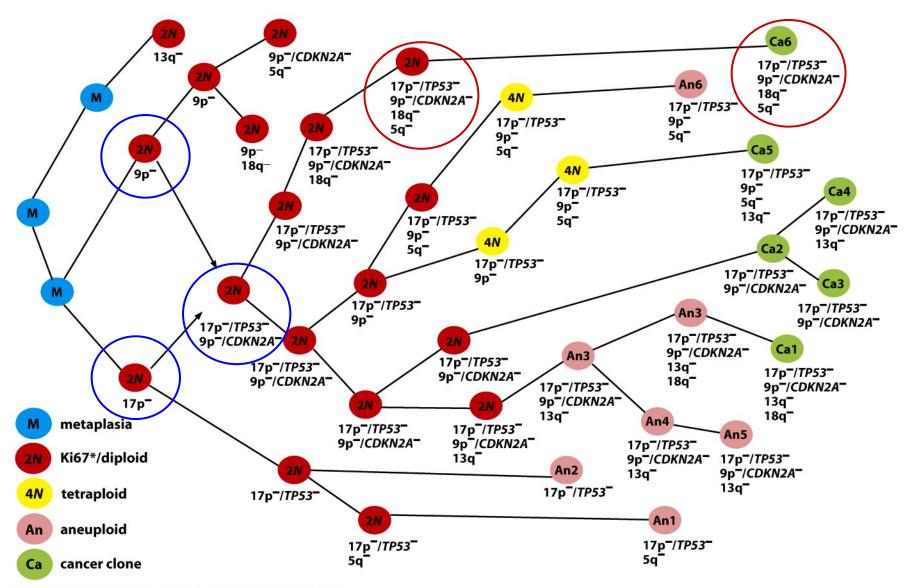


Figure 11-11b The Biology of Cancer (© Garland Science 2007)

Riassumiamo

- ➤ Una alterazione iniziale su una singola cellula genera una popolazione clonale di cellule caratterizzate da una anomalia lieve (tale da non determinare morte cellulare). In tale popolazione, cicli successivi di cambiamenti ereditari casuali seguiti da selezione naturale fanno emergere cellule che si replicano senza controllo e colonizzano altri tessuti.
- Ad ogni ciclo di cambiamento ereditario, una singola cellula della popolazione acquisisce un cambiamento addizionale (mutazionale o epigenetico) che le conferisce un vantaggio selettivo sulle cellule vicine (migliore capacità di utilizzazione delle risorse) e quindi di sopravvivenza e proliferazione nel microambiente.
- I discendenti della cellula che meglio si adatta continuano a dividersi, diventando alla fine il clone dominante nella lesione che si sviluppa. I tumori crescono ad intermittenza, quando le cellule in cui intervengono cambiamenti ereditari aggiuntivi e vantaggiosi prevalgono e proliferano. La progressione quindi include una quota consistente di casualità e dura parecchi anni.

http://www.sanger.ac.uk/genetics/CGP/Census/

Cancer G	enon	ie.
Project	4	\mathcal{D}_{-}

Tatali

"Cancer genes"

Tutti i geni umani

457

157

 \sim 25.000

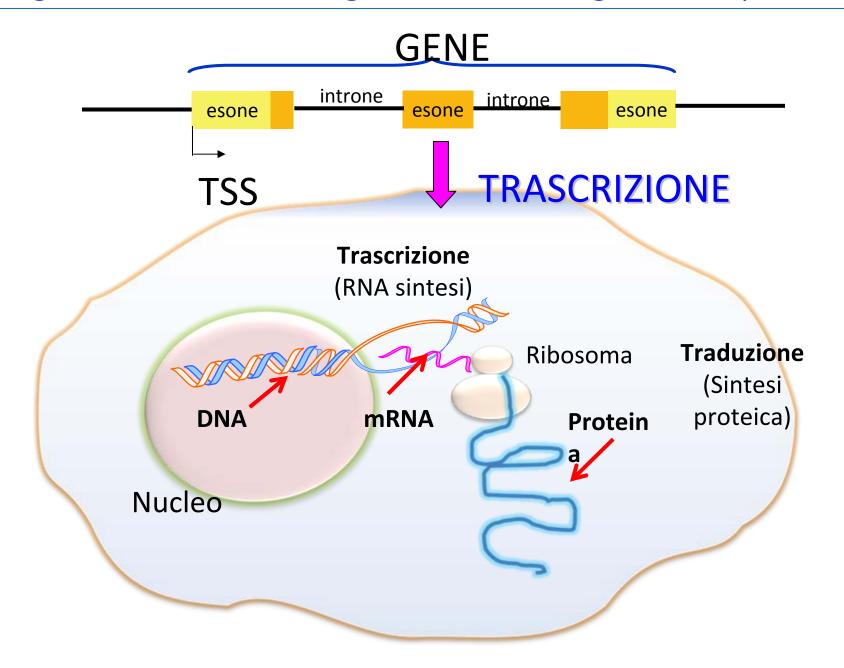
I Otali	45 /
Amplificazioni	15
Mutazioni con frameshift	88
Grandi delezioni	34
Mutazioni missenso	126
Mutazioni nonsenso	85
Altre mutazioni	20
Mutazioni di splicing	53
	315
Mutazioni somatiche	415
Mutazioni della linea germinale	75

Caratteristiche biologiche delle cellule tumorali: il fenotipo tumorale maligno

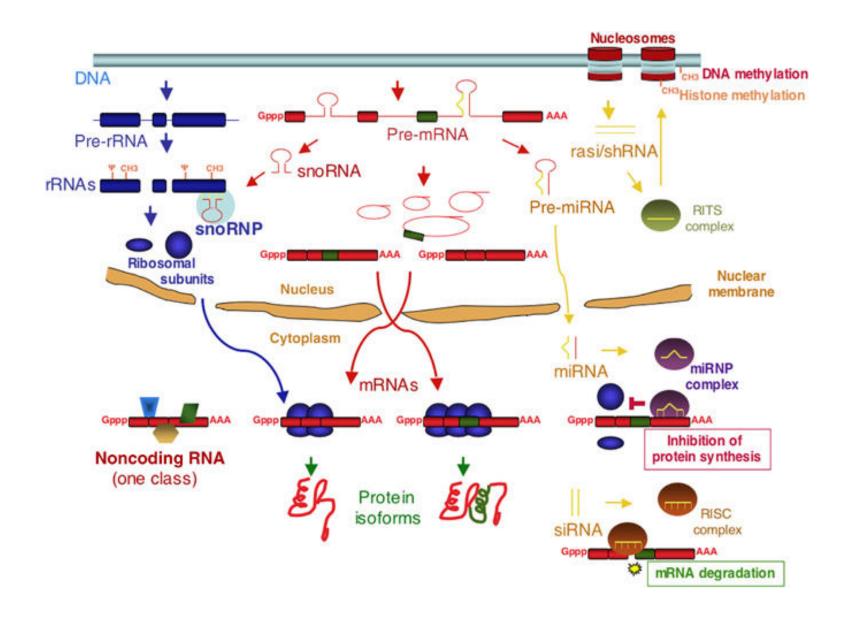
- Alterazioni nella progressione del ciclo cellulare e della differenziazione
- ➤ Alterazioni dell'apoptosi
- Aumento della durata della vita, e della capacità replicativa
- Aumento della capacità di mobilizzazione delle risorse
- ➤ Modificazioni delle interazioni tumore-stroma: invasione, angiogenesi
- > Metastasi

Alterazioni nella progressione del ciclo cellulare e della differenziazione

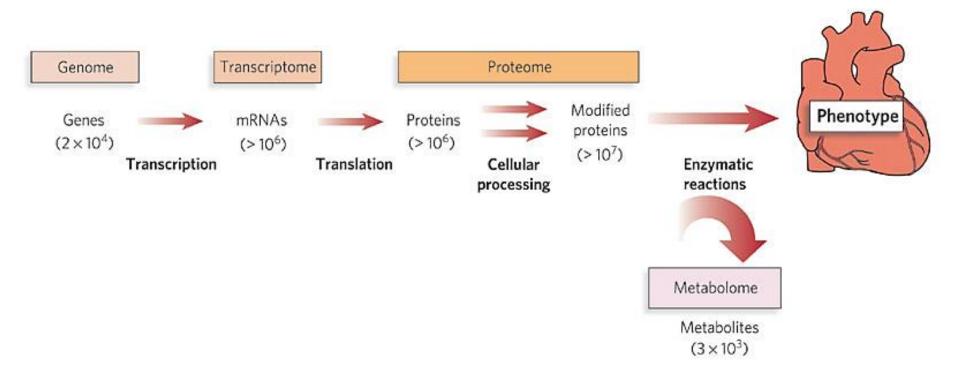
Dogma centrale della biologia molecolare: un gene... una proteina

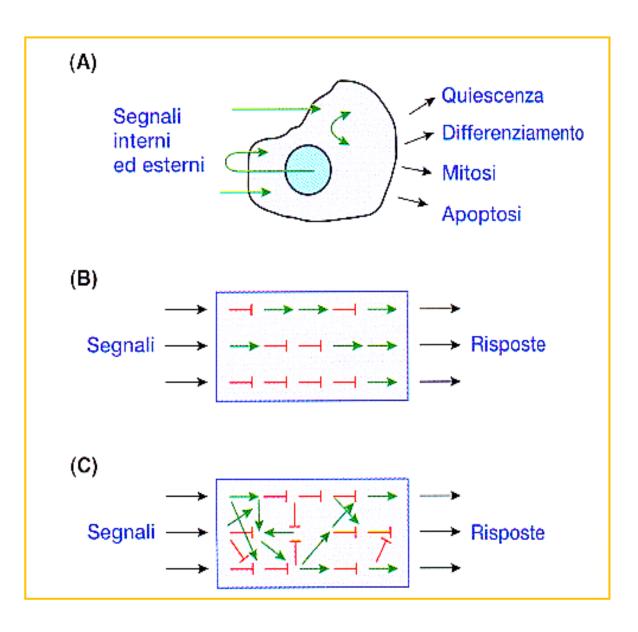


Panoramica della trascrittomica eucariotica



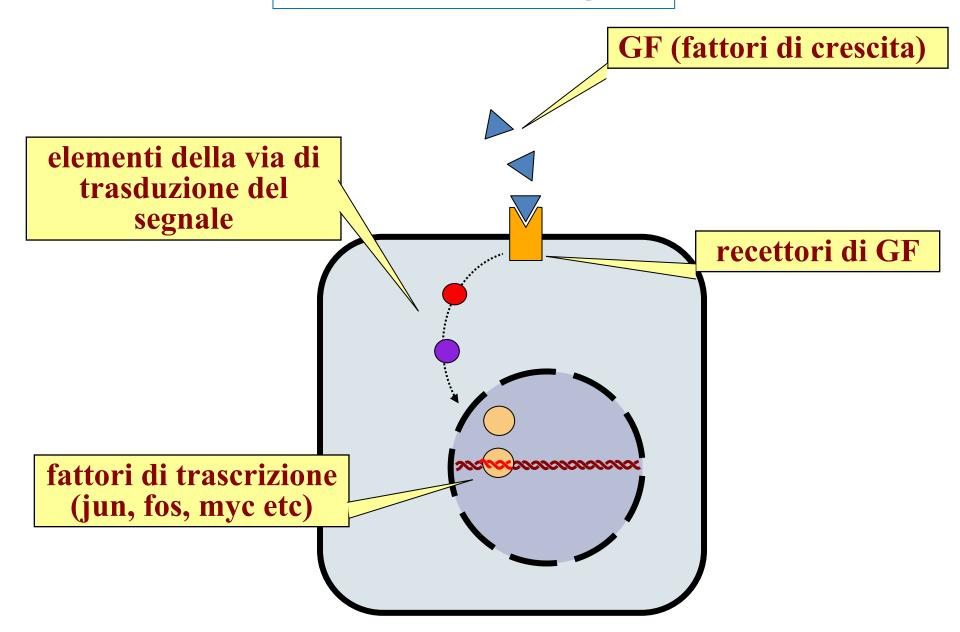
L'aumento della complessità informativa dal genoma al trascrittoma del proteoma





Il destino
evolutivo di una
cellula è
determinato da
una complessa
rete di interazioni

Trasduzione del segnale



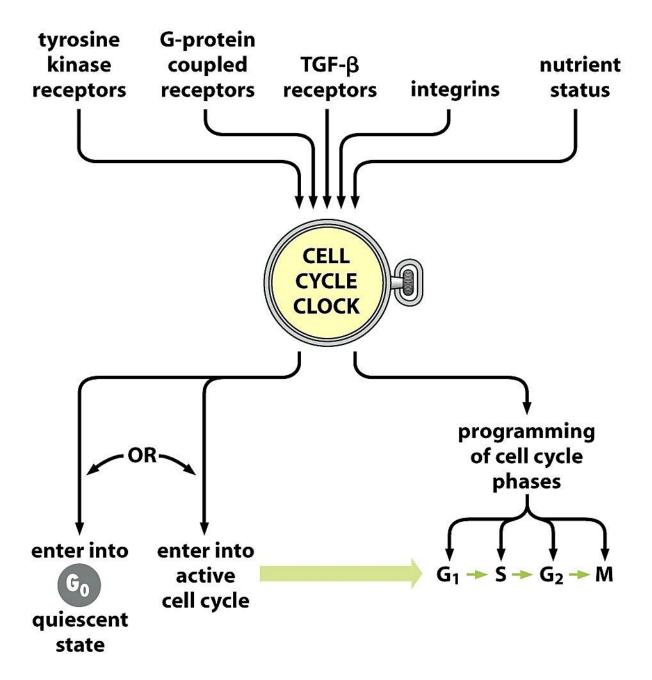


Figure 8.1 The Biology of Cancer (© Garland Science 2007)

prophase, metaphase, anaphase, telophase

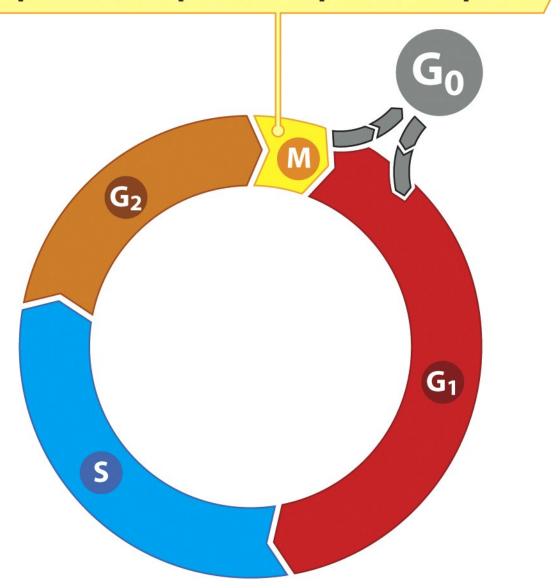


Figure 8.3b The Biology of Cancer (© Garland Science 2007)

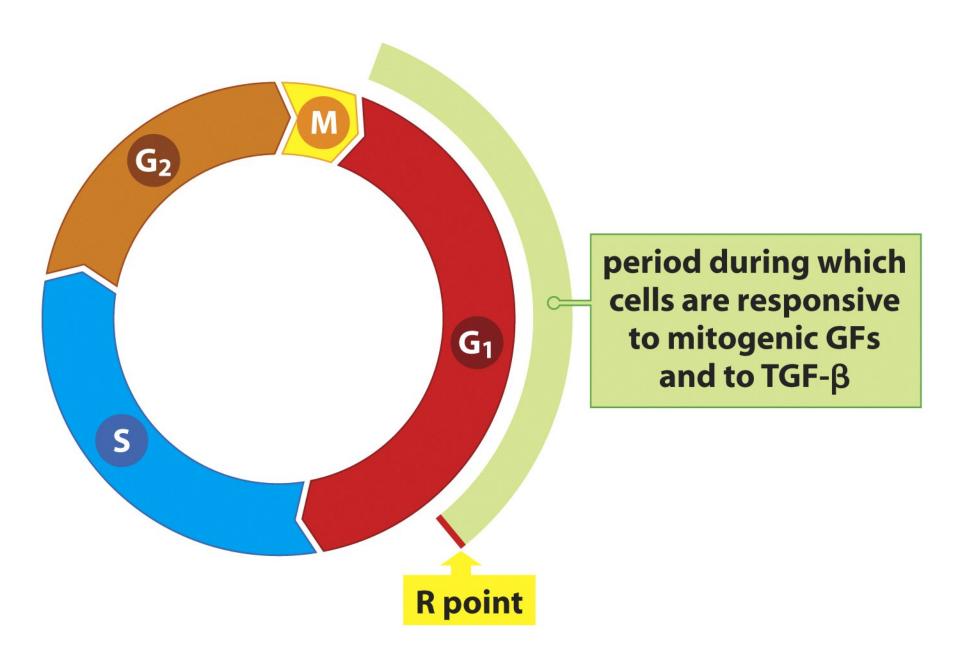


Figure 8.6 The Biology of Cancer (© Garland Science 2007)

Progressione del ciclo cellulare

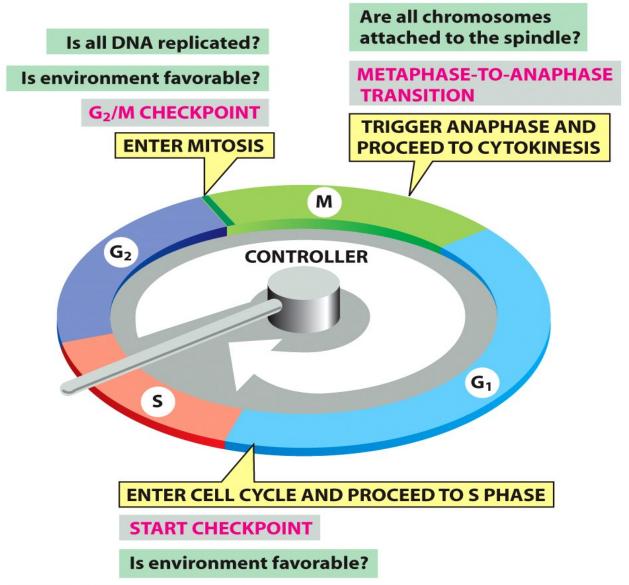
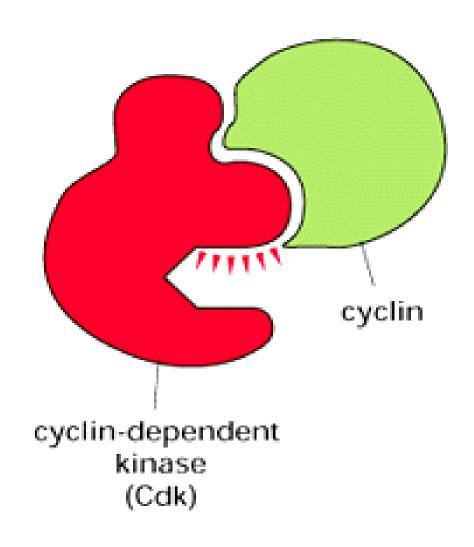


Figure 17-14 Molecular Biology of the Cell 5/e (© Garland Science 2008)

I due componenti principali del sistema di controllo del ciclo cellulare



Il complesso ciclina/Cdk ha una attività kinasica, in assenza di ciclina, Cdk è inattiva

Progressione delle cicline nel ciclo cellulare

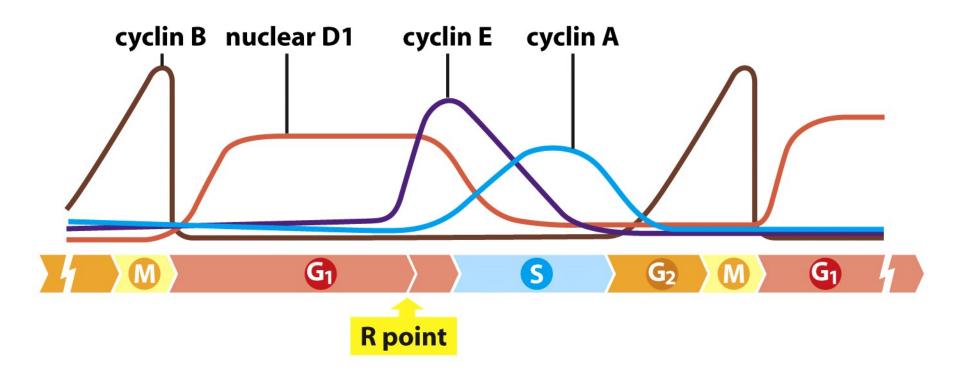


Figure 8.10 The Biology of Cancer (© Garland Science 2007)

Come i complessi CDK-ciclina promuovono la progressione del ciclo cellulare

Fosforilazione di specifici substrati

>- Componenti del ciclo cellulare stesso (Es. proteine di controllo: p27)

>- pRB: substrato critico

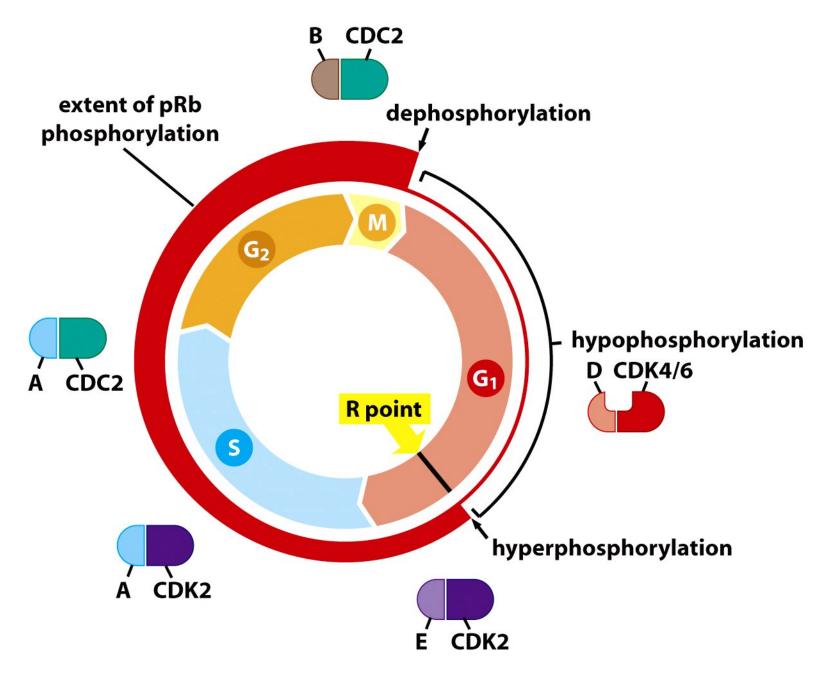
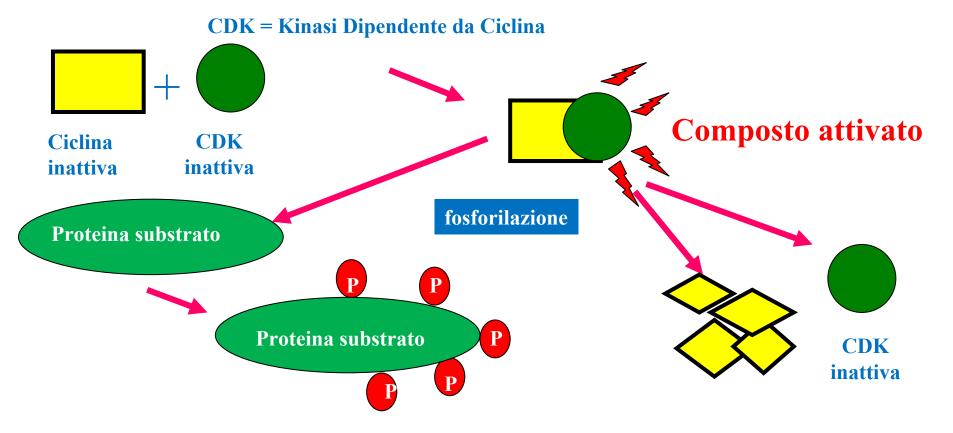


Figure 8.19 The Biology of Cancer (© Garland Science 2007)

Meccanismo di attivazione delle cicline



Esempi di proteine substrato : lamine nella membrana nucleare, proteine istoniche, proteina Rb...

Ciclina legata dalla ubiquitina e degradata nel proteasoma a livello del citoplama

Inattivazione delle cicline

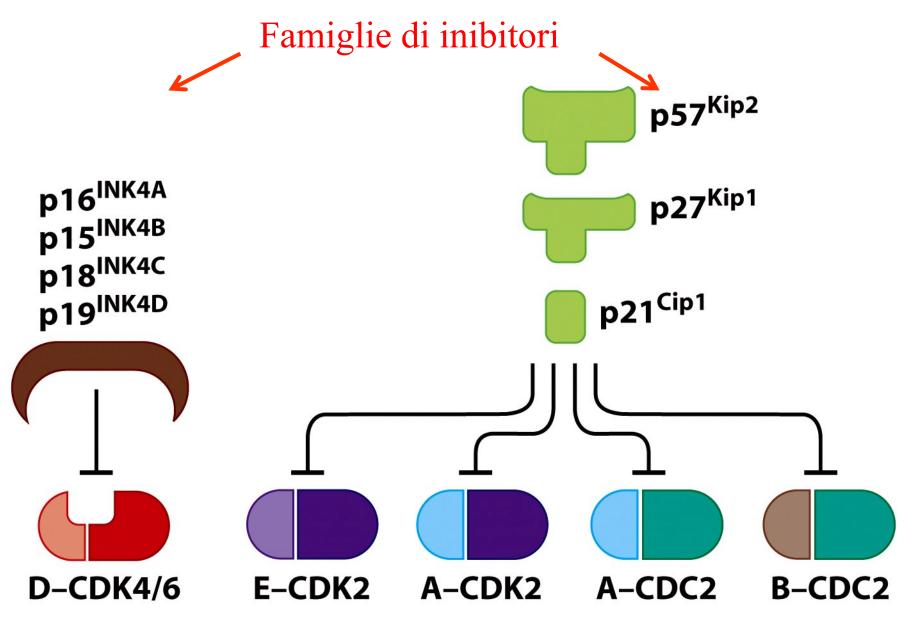


Figure 8.13a The Biology of Cancer (© Garland Science 2007)

Controllo della proliferazione cellulare : TGFB

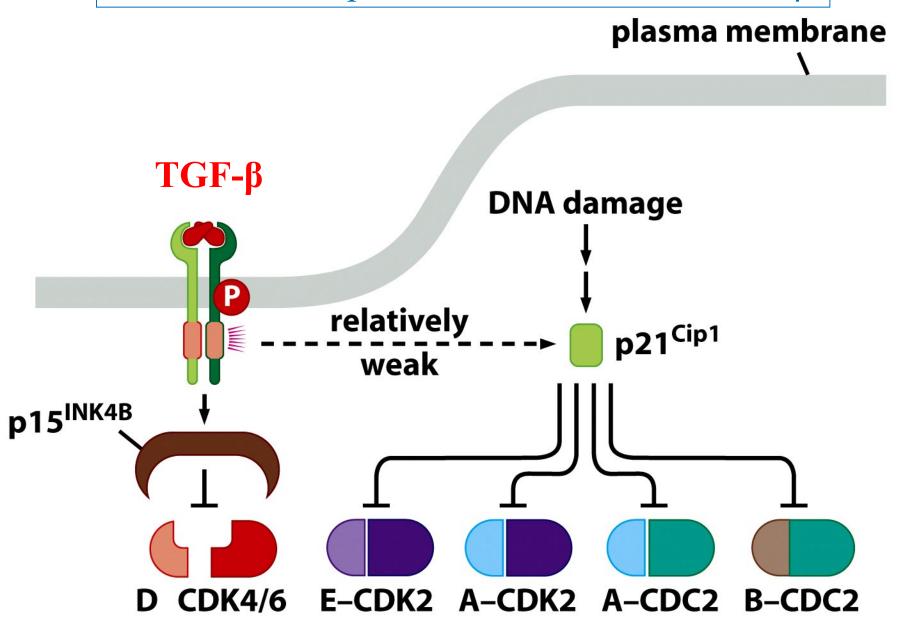


Figure 8.14a The Biology of Cancer (© Garland Science 2007)