



UNIVERSITÀ  
DEGLI STUDI DI BARI  
ALDO MORO

DIPARTIMENTO DI SCIENZE DEL SUOLO, DELLA PIANTA E DEGLI ALIMENTI—Di.S.S.P.A

---



UNIONE EUROPEA



REGIONE PUGLIA

AREA POLITICHE PER LO SVILUPPO IL LAVORO E L'INNOVAZIONE



Bando "Aiuti a Sostegno dei Cluster Tecnologici Regionali"  
NATURE (Nuovo Approccio per la riduzione delle Tossine Uremiche RENali) - codice progetto XUANRO4

---

## ALLEGATO TECNICO

**Servizio di sequenziamento di DNA microbico  
estratto da 300 campioni fecali**



UNIONE EUROPEA



REGIONE PUGLIA

AREA POLITICHE PER LO SVILUPPO IL LAVORO E L'INNOVAZIONE



Bando "Aiuti a Sostegno dei Cluster Tecnologici Regionali"  
NATURE (Nuovo Approccio per la riduzione delle Tossine Uremiche RENali) - codice progetto XUANRO4

## CARATTERISTICHE TECNICHE

### Descrizione generale del servizio:

Il DNA estratto da 300 campioni fecali e inviato alla ditta aggiudicatrice dovrà essere usato come "template" nella piattaforma di sequenziamento di tipo "high throughput" Illumina MiSeq. Le reazioni PCR dovranno avere come target il 16S rDNA per ottenere informazioni sulla diversità batterica all'interno di ciascun campione. La piattaforma di sequenziamento dovrà consentire l'ottenimento, per ciascun campione, di almeno 10.000 "reads". Le "reads" ottenute dovranno essere sottoposte a "denoising" ed all'eliminazione di eventuali "chimere". Le sequenze di DNA ottenute (OTU), di lunghezza non inferiore a 400 paia di basi, saranno allineate con sequenze depositate in database pubblici (es. NCBI nucleotide database) ai fini dell'attribuzione tassonomica. I risultati forniti dovranno includere: (i) percentuale di abbondanza relativa di ciascuna OTU nel campione, classificata al livello tassonomico più alto possibile; (ii) numero di "reads" per ciascuna OTU; (iii) sequenza nucleotidica per ciascuna OTU; (iv) indici di "alpha diversity" per ciascun campione, in particolare "Chao1 richness" e "Shannon diversity".

**Il servizio fornito dovrà rispondere alle caratteristiche sopraelencate.**